

**Table S1.** Distribution of somatic mutations identified in 22 human colorectal cancer exomes.

sample	syn	missense	nonsense	splicing	frameshift_indel	nonframeshift_indel	Total
D1	5	15	1	0	0	0	21
D2	17	31	3	3	1	0	55
D3	19	62	7	2	10	3	103
D4	15	20	1	0	5	3	44
D5	11	30	3	2	2	0	48
D6	11	36	6	1	3	0	57
D7	15	42	3	1	4	0	65
D8	16	36	7	3	5	0	67
D9	8	29	5	1	2	0	45
D10	26	49	9	2	3	0	89
D11	16	39	1	0	0	0	56
D12	22	67	3	5	4	0	101
D13	14	28	3	0	0	0	45
D14	6	16	1	1	0	1	25
D15	12	37	5	1	4	2	61
D16	28	65	5	1	7	3	109
D17	3	8	1	0	1	0	13
D18	6	32	6	3	1	2	50
D19	8	28	5	0	2	0	43
D20	12	18	2	1	5	1	39
D21	5	28	2	0	2	0	37
D22	15	48	6	2	4	0	75